ESTUDO MOLECULAR DO ZIKV, BVDV E BTV EM BOVINOS DO ESTADO DE SÃO PAULO E SUA INTERAÇÃO COM MOSQUITOS DOS GÊNEROS *Aedes* E *Culicoides*. RESULTADOS PRELIMINARES. SOUZA, F.^{1*}; DEL FAVA, C.²; OLIVEIRA, S.^{1**}; FREIRE, B.C.¹; MAGALHÃES, V.C.³; MATEUS, G.P.⁴; ROMALDINI, A.H.C.¹; PITUCO, E.M.¹; OKUDA, L.H.¹ Instituto Biológico, Centro de Pesquisa de Sanidade Animal, ¹Laboratório de Virose de Bovídeos, ²Laboratório de Anatomia Patológica, Av. Cons. Rodrigues Alves, 1252, CEP 04014-900, São Paulo, SP, Brasil. ³Instituto Biológico, Centro de Pesquisa de Sanidade Animal, Laboratório Regional de Araçatuba, Araçatuba, SP. ⁴Polo Regional Extremo-Oeste, Andradina, SP. E-mail: fabiolasouzabio@gmail.com. ***Molecular study of ZIKV, BVDV and BTV in bovines of the state of São Paulo and its interaction with mosquitos of the Aedes and Culicoides genes. Preliminary results.***

O Zika vírus (ZIKV), pertencente à família Flaviviridae, afeta seres humanos e causa malformação fetal e perdas embrionárias e fetais. Os primatas são os principais hospedeiros do ZIKV. Porém, o papel de outros vertebrados na cadeia epidemiológica tem sido pouco estudado. Os bovinos podem apresentar perda embrionária e malformação fetal causada pelo vírus da diarreia viral bovina (BVDV), que pertence à mesma família do ZIKV, e pelo vírus da Língua Azul (BTV), da família Reoviridae. O BTV é transmitido por mosquitos do gênero *Culicoides* e *Aedes*, e o ZIKV por mosquitos do gênero *Aedes*. Porém, não foi estudado se os bovinos se infectam com o ZIKV, se o gênero *Culicoides* o transmite, e se existe a possibilidade de ocorrer reações moleculares cruzadas entre o ZIKV e BVDV. Os objetivos gerais deste estudo são avaliar a espécie bovina como potencial reservatório do ZIKV, e o papel das espécies de *Aedes* e *Culicoides* como transmissores do ZIKV em bovinos do estado de São Paulo. Este projeto foi aprovado pelo Comitê de Bioética em Experimentação Animal do Instituto Biológico n.159/18. Colheitas de sangue de bovinos em tubos vacutainer, com e sem anticoagulante, e capturas de mosquitos em armadilhas do tipo CDC e específicas para captura de *Culicoides* foram realizadas na Fazenda Experimental da Agência Paulista de Tecnologia dos Agronegócios (APTA), em Andradina, SP. Na primeira colheita, em novembro de 2017, foram obtidas amostras de sangue de 142 bovinos, fêmeas, adultos da raça Nelore, e na segunda (fevereiro/2018) foi colhido um total de 562 amostras, sendo 289 de animais adultos (fêmeas), 197 bezerros (macho/fêmea com idade inferior a 12 meses) da raça Nelore e 76 de bovinos fêmeas da raça Angus/Aberdeen de até 18 meses de idade. Armadilhas para a captura de mosquitos foram instaladas, apenas na segunda colheita, nas áreas de manejo em que os animais permaneceram durante todo o período da colheita das amostras. Foi avaliada a presença de ZIKV (Qibasa/Bioclin®) e BTV (gene NS3, segmento 10) pela RT-qPCR e BVDV (gene 5'UTR) pela PCR convencional em amostras de bovinos e/ou mosquitos capturados. Das amostras de sangue testadas, nenhuma amostra foi positiva para ZIKV (704 amostras) e BVDV (142 amostras), enquanto que 12,8% (90/704) foram positivas para BTV. Para os mosquitos capturados, foi identificado o gênero *Culicoides* e feitos *pools* com 1 a 50 mosquitos; os *pools* foram testados para ZIKV e BTV e todos foram negativos. Os resultados finais deste estudo contribuirão para a tomada de decisões no combate do ZIKV, visando à saúde pública e agronegócio.

*Bolsista Capes. Projeto CNPq n° 440527/2016-3 – PG Instituto Biológico

**Bolsista Capes, Estágio Pós doutoral, processo n° 88887.185468/2018-00

Suporte financeiro CNPq auxílio no. 440527/2016-3 e CAPES auxílio 88881.130751/2016-01